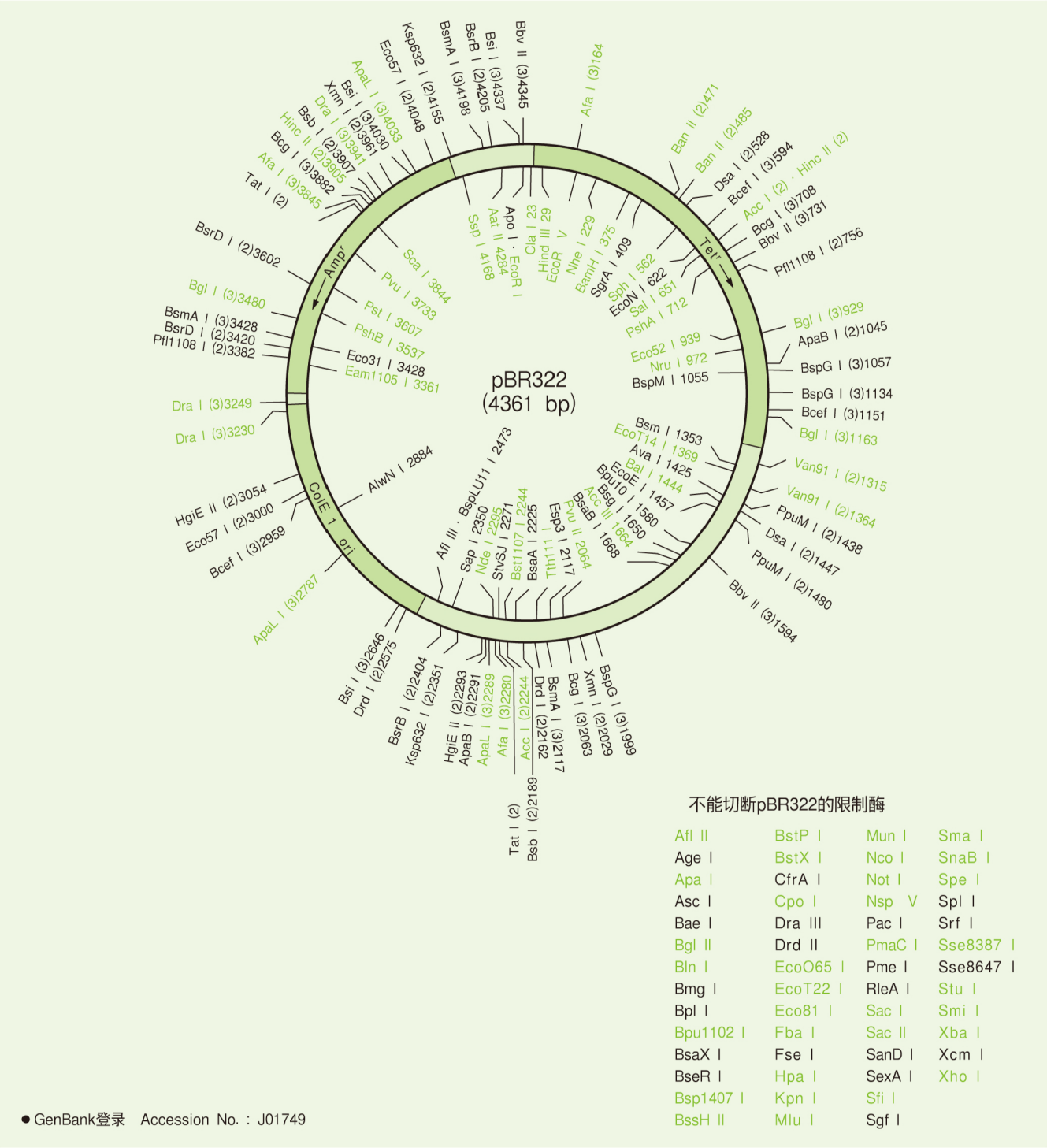


pBR322 DNA (4361 bp) 的限制酶切位点图

本图所示数字是以EcoR I位点中央计为0，从顺时针方向计算，至各酶切位点的第一个碱基的数。在圆的内部所表示的各限制酶是在pBR322 DNA 上只有一个酶切位点的酶。圆外所表示的各酶是在pBR322 DNA上有2个至3个的酶切位点的酶，() 内的数是酶切位点数。绿字表示Takara销售的限制酶。



● GenBank登录 Accession No. : J01749

参考文献

1) Sutcliffe, J. G. (1979) Cold Sping Harbor Symposium 43, 77-90.
2) Peden, K. W. C. (1983) Gene 22, 277-280.
3) Watson, N. (1988) Gene 70, 399-403.

A：切断数 B：限制酶 C：酶切位点的第一个碱基的位置 D：切下片段的碱基数（从小排列） 绿字表示Takara销售的限制酶。

A	B	C	D	A	B	C	D	A	B	C	D	A	B	C	D	A	B	C	D
(1)	Aat II	4284	4361			3428	1311			2968	1035			3863	540			587	195
	Acc III	1664	4361			4198	2280			3221	1259			4289	1653			1174	291
	Afl III	2473	4361		BspG I	1057	77			3556	1479			276	85			1465	498
	AlwN I	2884	4361			1134	865		Tth111 II	1920	15			587	291			2289	584
	Apo I	4359	4361			1999	3419			3047	24			1174	311			2787	607
	Ava I	1425	4361			3230	19			3071	1127			1465	498			3948	824
	Bal I	1444	4361			3249	692			3086	1273			2289	587			4033	1161
	BamH I	375	4361			3941	3650			4359	1922			2787	604		CjeP I	305	18
	Bpu10 I	1580	4361		(4) Acl I	900	373		(6) Bbi II	413	21			3948	824			390	31
	BsaA I	2225	4361			1799	899			434	114			4033	1161			981	85
	BsaB I	1668	4361			3591	1297			548	390		Mfl I	375	11			999	120
	Bsg I	1650	4361			3964	1792			1205	482			1667	12			2975	147
	Bsm I	1353	4361			232	262			3902	657			3114	17			3006	388
	BspLU11 I	2473	4361		Aor51H I	494	281			4284	2697			3125	86			3153	472
	BspM I	1055	4361			775	952		Bce83 I	664	192			3211	728			3273	533
	Bst1107 I	2244	4361			1727	2866			856	263			3223	768			3745	591
	Cla I	23	4361			413	21			2565	276			3991	1292			4278	1976
	Eam1105 I	3361	4361		Bbe I	434	114			2841	868			4008	1447		Fau I	175	10
	EcoE I	1457	4361			548	657			3104	1053			115	6			697	147
	EcoN I	622	4361			1205	3569			3972	1709		Sec I	129	14			890	186
	EcoR I	4359	4361		BspH I	489	105		Eae I	295	104			528	78			1037	193
	EcoR V	185	4361			3193	544			399	132			534	202			1232	195
	EcoT14 I	1369	4361			4201	1008			531	408			1167	399			1491	230
	Eco31 I	3428	4361			4306	2704			939	505			1369	633			1763	259
	Eco52 I	939	4361		Bsp24 I	390	178			1444	902			1447	1186			1949	272
	Esp3 I	2117	4361			2975	473			3754	2310			2633	1843			2179	522
	Hind III	29	4361			3153	1125		Mva I	130	13		Sim I	783	44			2189	2347
	Nde I	2295	4361			4278	2585			1059	121			1438	257		Hinf I	632	75
	Nhe I	229	4361		Eci I	1393	146			1442	383			1482	288			852	154
	Nru I	972	4361			2545	828			2500	929			1739	449			1006	220
	PshA I	712	4361			2691	1152			2621	1058			2217	478			1304	221
	PshB I	3537	4361			3519	2235			2634	1857			2666	481			1525	298
	Pst I	3607	4361		EcoO109 I	523	42		NspB II	1139	119			3147	655			2029	344
	Pvu I	3733	4361			1438	543			2064	245			3435	1709			2373	396
	Pvu II	2064	4361			1480	915			2183	630		StyLT I	779	26			2448	504
	Sal I	651	4361			4341	2861			2813	925			1756	63			2844	517
	Sap I	2350	4361		Fin I	538	196			3058	941			2101	168			3361	1632
	Sca I	3844	4361			888	350			3999	1501			2269	317		Mae II	901	24
	SgrA I	409	4361			1084	677		Taq II	654	34			2586	320			957	56
	Sph I	562	4361			1761	3138			2376	153			2906	345			1546	230
	Ssp I	4168	4361		Fsp I	260	98			3715	168			2932	977			1570	320
	StySJ I	2271	4361			1356	1035			3883	945			2995	2145			1800	373
	Tth111 I	2217	4361			1454	1096			4036	1339			59	14			2226	416
(2)	Acc I	651	1593			3586	2132			4070	1722		TspE I	252	60			3176	428
		2244	2768		Gsu I	811	580			852	154			1320	193			3592	589
	ApaB I	1045	1246			1401	590		Tfi I	1006	221			1334	255			3965	950
		2291	3115			1981	1470			1304	298			3234	306			4285	977
	Ban II	471	14			3451	1721			1525	419			3540	565				
		485	4347		Mly I	627	466			2029	504			3795	1068				
	Bsb I	2189	1718			2373	522			2448	2765		(9) Bcc I	458	12				
		3907	2643			2839	1627		(7) Cfr10 I	160	9			552	90				
	BsrB I	2404	1801			3361	1746			401	160			988	94				
		4205	2560		Mme I	197	87			410	241			1078	124				
	BsrD I	3420	182			284	184			769	354			1385	287				
		3602	4179			2663	1711			929	359			1397	307				
	Drd I	2162	413			2847	2379			1283	1075			3402	436				
		2575	3948		Nae I	401	160			3446	2163			3526	1006				
	Dsa I	528	919			769	354		Hae I	918	11			3813	2005				
		1447	3442			929	368			990	57			391	1				
	Eco57 I	3000	1048			1283	3479			1047	72		Cje I	894	78				
		4048	3313		Nsp I	562	292			1444	397			2294	99				
	HgiE II	2293	761			1816	365			2486	452			2500	206				
		3054	3600			2108	1254			2497	1042			2976	474				
	Hinc II	651	1107			2473	2450			2949	2330			3054	476				
		3905	3254		Ple I	632	476		Mcr I	286	149			3055	503				
	Ksp632 I	2351	1804			2368	512			653	286			3154	1124				
		4155	2557			2844	1637			939	367			4278	1400				
	Pfl1108 I	756	1735			3356	1736			2386	424			76	21				
		3382	2626		Sfe I	138	191			2810	765		HgiC I	119	43				
	PpuM I	1438	42			2738	678			3733	923			413	84				
		1480	4319			2929	892			3882	1447			434	114				
	Tat I	2279	1565			3607	2600		Msl I	1027	159			548	218				
		3844	2796		(5) Ace III	685	128			1458	195			766	294				
	Van91 I	1315	49			1985	300			1653	359			1205	439				
		1364	4312			2113	1240			2044	391			1289	1123				
	Xmn I	2029	1932			2413	1300			3614	431			3314	2025				
		3961	2429			3653	1393			3773	1256			125	88				
(3)	Afa I	164	680		Bet I	693	147			4132	1570		Tsp45 I	213	95				
		2280	1565			1664	831		TthHB8 I	24	141			881	211				
		3845	2116			2679	971			339	313			1148	213				
	ApaL I	2289	498			2826	1015			652	315			1915	267				
		2787	1246			3657	1397			1127	368			2128	652				
		4033	2617		Bfi I	304	69			1268	475			2223	668				
	Bbv II	731	747			610	306			2573	1305			3623	767				
		1594	863			679	1192			4017	1444			3834	1400				
		4345	2751			2219	1254		(8) Ava II	799	42			170	35				
	Bcef I	594	557			3411	1540			887	88		(10) Bcn I	534	226				
		1151	1808		Gdi II	295	104			1136	222			1258	306				
		2959	1996			399	132			1439	249			1484	328				
	Bcg I	708	1187			531	408			1481	279			1812	351				
		2063	1355			939	902			1760	303			2118	364				
		3882	1819			3754	2815			3504	1434			2153	632				
	Bgl I	929	234		Hin4 I	12	74			3726	1744			2852	696				
		1163	1810			330	318		Dde I	1581	162								